

娄群峰

教授、博士生导师

南京市卫岗 1 号南京农业大学园艺学院 邮编：210095

电话：02584396279

E-Mail: qflou@njau.edu.cn



研究方向：

本人主要从事蔬菜细胞分子生物学与遗传育种研究工作，主持国家自然科学基金 4 项、教育部博士点基金 1 项，江苏省基金 2 项等 10 余项科研项目，同时作为技术骨干参加了国家自然科学基金重点项目、“973”项目、“863”项目、国家科技支撑课题、江苏省科技支撑、高校基本科研业务费专项基金等国家及省部级科研项目 10 余项科研项目。在葫芦科作物的细胞染色体工程和种质创新、遗传连锁图的构建、重要农艺性状基因克隆及功能鉴定、重要农艺性状分子标记筛选以及分子辅助育种等开展了系统的研究。

教授课程：

植物组织培养、园艺植物分子生物学、园艺植物育种学总论、园艺植物育种学各论、植物生物技术

教育经历：

1991.9-1995.7 南京农业大学农学系 本科

1995.9-1998.7 南京农业大学农学系 硕士研究生

2001.9-2004.7 南京农业大学园艺系 博士研究生

工作经历：

1998.8-2001.8 江苏农业科学院农业现代化研究所 研实

2001.9-2004.8 江苏农业科学院资源与环境中心 助研

2004.9-2007.12 南京农业大学园艺学院 讲师

2008.6-2010.1 美国威斯康星大学园艺系 访问学者

2008.1-2014.12 南京农业大学园艺学院 副教授

2015.1-至今 南京农业大学园艺学院 教授

获奖及荣誉:

2016年 入选“江苏省青蓝工程中青年学术带头人”

2015年 获得江苏省科学技术奖二等奖“黄瓜生物技术育种研究及应用”(排名第3)

2014年 获得教育部技术发明二等奖“黄瓜种质创新及优异基因资源的发掘利用”(排名第2)

2005年, 获得教育部自然科学二等奖“甜瓜属远缘杂交的遗传与种质创新”(排名第3)

主持或参与的科研项目:

国家自然科学基金“基于染色体涂染的甜瓜属主要物种染色体结构分化研究(31471872)”, 项目主持

国家自然科学基金“黄瓜果重 QTL 精细定位及主效基因克隆(31272174)”, 项目主持

国家自然科学基金“哈密瓜抗蔓枯病聚合育种研究(U1178307)”, 项目主持

国家自然科学基金“黄瓜染色体单片段导入系构建及 QTL 定位分析(30700541)”, 项目主持

高校基本科研业务费“单性结实黄瓜果实器官发育的基因克隆(KYZ201148)”, 项目主持

博士点基金“甜瓜属异源多倍体诱导的逆转座子激活及其对基因表达的影响(20070307034)”, 项目主持

省基金“黄瓜单性结实主效基因标记定位及育种应用(BK2006139)”, 项目主持

973 课题“黄瓜、番茄果实形成的分子遗传与调控机制(2012CB113904)”, 骨干成员

863 课题“蔬菜细胞育种技术与优异种质创制(2012AA100102)”, 骨干成员

江苏省农业科技自主创新资金项目“瓜类蔬菜产品产业链技术创新与集成应用(CX(15)1019)”, 骨干成员

教育部成果转化资金“黄瓜优良新品种的规模化繁育(SQ2013EC3600014)”, 骨干成员

“十二五”农村领域国家科技计划课题“园艺作物种质资源发掘与创新利用(2013BAD01B04)”, 骨干成员

近五年发表的 SCI 文章/论文(*为通讯作者):

1. Wei, Q.Z., Fu, W.Y., Wang, Y.Z., Qin, X.D., Wang, J., Li, J., Lou, Q.F.* and Chen, J.F.* (2016) Rapid identification of fruit length loci in cucumber (*Cucumis sativus* L.) using next-generation sequencing (NGS)-based QTL analysis. *Scientific reports*, 6, 27496.
2. Zhang, Z.T., Yang, S.Q., Li, Z.A., Zhang, Y.X., Wang, Y.Z., Cheng, C.Y., Li, J., Chen, J.F. and Lou, Q.F.* (2016) Comparative chromosomal localization of 45S and 5S rDNAs and implications for genome evolution in *Cucumis*. *Genome*, 59, 449-457

3. Zhang, Y., Cheng, C., Li, J., Yang, S., Wang, Y., Li, Z., Chen, J* and Lou, Q*. (2015) Chromosomal structures and repetitive sequences divergence in Cucumis species revealed by comparative cytogenetic mapping. *BMC genomics*, 16, 730.
4. Wei, Q., Wang, Y., Qin, X., Zhang, Y., Zhang, Z., Wang, J., Li, J., Lou, Q* and Chen, J*. (2014) An SNP-based saturated genetic map and QTL analysis of fruit-related traits in cucumber using specific-length amplified fragment (SLAF) sequencing. *BMC genomics*, 15, 1158.
5. Lou, Q., Zhang, Y., He, Y., Li, J., Jia, L., Cheng, C., Guan, W., Yang, S. and Chen, J. (2014) Single-copy gene-based chromosome painting in cucumber and its application for chromosome rearrangement analysis in Cucumis. *The Plant journal : for cell and molecular biology*, 78, 169-179.
6. Wu, Z., Jia, L., Shen, J., Jiang, B., Qian, C., Lou, Q., Li, J. and Chen, J. (2014) The complete chloroplast genome sequence of the wild cucumber *Cucumis hystrix* Chakr. (*Cucumis*, *cucurbitaceae*). *Mitochondrial DNA*.
7. Jia, L., Lou, Q. (共同第一), Jiang, B., Wang, D. and Chen, J. (2014) LTR retrotransposons cause expression changes of adjacent genes in early generations of the newly formed allotetraploid *Cucumis hystrix*. *Scientia horticulturae*, 174, 171-177.
8. Li, J., Wu, Z., Cui, L., Zhang, T., Guo, Q., Xu, J., Jia, L., Lou, Q., Huang, S., Li, Z. and Chen, J. (2014) Transcriptome comparison of global distinctive features between pollination and parthenocarpic fruit set reveals transcriptional phytohormone cross-talk in cucumber (*Cucumis sativus* L.). *Plant & cell physiology*, 55, 1325-1342.
9. Wang, W., Feng, B., Xiao, J., Xia, Z., Zhou, X., Li, P., Zhang, W., Wang, Y., Moller, B.L., Zhang, P., Luo, M.C., Xiao, G., Liu, J., Yang, J., Chen, S., Rabinowicz, P.D., Chen, X., Zhang, H.B., Ceballos, H., Lou, Q., Zou, M., Carvalho, L.J., Zeng, C., Xia, J., Sun, S., Fu, Y., Wang, H., Lu, C., Ruan, M., Zhou, S., Wu, Z., Liu, H., Kannangara, R.M., Jorgensen, K., Neale, R.L., Bonde, M., Heinz, N., Zhu, W., Wang, S., Zhang, Y., Pan, K., Wen, M., Ma, P.A., Li, Z., Hu, M., Liao, W., Hu, W., Zhang, S., Pei, J., Guo, A., Guo, J., Zhang, J., Zhang, Z., Ye, J., Ou, W., Ma, Y., Liu, X., Tallon, L.J., Galens, K., Ott, S., Huang, J., Xue, J., An, F., Yao, Q., Lu, X., Fregene, M., Lopez-Lavalle, L.A., Wu, J., You, F.M., Chen, M., Hu, S., Wu, G., Zhong, S., Ling, P., Chen, Y., Wang, Q., Liu, G., Liu, B., Li, K. and Peng, M. (2014) Cassava genome from a wild ancestor to cultivated varieties. *Nature communications*, 5, 5110.
10. Lou, Q., He, Y., Cheng, C., Zhang, Z., Li, J., Huang, S. and Chen, J. (2013) Integration of high-resolution physical and genetic map reveals differential recombination frequency between chromosomes and the genome assembling quality in cucumber. *PloS one*, 8, e62676.

11. Cui, L., Li, J., Zhang, T., Guo, Q., Xu, J., Lou, Q. and Chen, J. (2013) Identification and Expression Analysis of D-type Cyclin Genes in Early Developing Fruit of Cucumber (*Cucumis sativus* L.). *Plant Mol Biol Rep*, 32, 209-218.
12. Cui, L., Zhang, T., Li, J., Lou, Q. and Chen, J. (2013) Cloning and expression analysis of Cs-TIR1/AFB2: the fruit development-related genes of cucumber (*Cucumis sativus* L.). *Acta Physiol Plant*, 36, 139-149.
13. Iovene, M., Zhang, T., Lou, Q., Buell, C.R. and Jiang, J. (2013) Copy number variation in potato - an asexually propagated autotetraploid species. *The Plant journal : for cell and molecular biology*, 75, 80-89.
14. Bo, K., Song, H., Shen, J., Qian, C., Staub, J.E., Simon, P.W., Lou, Q. and Chen, J. (2011) Inheritance and mapping of the ore gene controlling the quantity of β -carotene in cucumber (*Cucumis sativus* L.) endocarp. *Molecular Breeding*.
15. Jiang, B., Lou, Q., Wu, Z., Zhang, W., Wang, D., Mbira, K.G., Weng, Y. and Chen, J. (2011) Retrotransposon- and microsatellite sequence-associated genomic changes in early generations of a newly synthesized allotetraploid *Cucumis x hytivus* Chen & Kirkbride. *Plant molecular biology*, 77, 225-233.
16. Jiang, B., Lou, Q.F., Wang, D., Wu, Z.M., Zhang, W.P. and Chen, J.F. (2011) Allopolyploidization induced the activation of Ty1-copia retrotransposons in *Cucumis hytivus*, a newly formed *Cucumis* allotetraploid. *Botanical Studies*, 52 (2): 145-152 *Bot Stud*, 52..
17. 张云霞, 娄群峰*, 李子昂, 王筠竹, 张振涛, 李季 and 陈劲枫 (2015) 基于基因组原位杂交快速构建黄瓜变种间核型. *中国农业科学*, 398-406.
18. 王晶, 娄群峰*, 魏庆镇, 李子昂, 付文苑 and 陈劲枫 (2015) 长春密刺黄瓜突变体库的构建和部分性状分析. *核农学报*, 29.
19. 武喆, 李蕾, 张婷, 张停林, 李季, 娄群峰 and 陈劲枫 (2015) 黄瓜单性结实性状的QTL定位. *中国农业科学*, 112-119.
20. 付文苑, 魏庆镇, 王晶, 王筠竹, 陈劲枫 and 娄群峰* (2015) 园艺作物果实人工驯化性状的分子基础研究进展. *分子植物育种*, 2647-2654.
21. 徐兵划, 钱春桃, 王红英, 毕研飞, 娄群峰, 张永兵, 伊鸿平 and 陈劲枫 (2014) 甜瓜蔓枯病抗性聚合材料中防卫基因的表达分析. *南京农业大学学报*, 63-68.
22. 管苇, 张云霞, 杨树琼, 陈劲枫 and 娄群峰* (2014) 黄瓜倍性材料创制及染色体组成的FISH鉴定. *中国农业科学*, 3513-3522.

23. 张停林, 崔利, 李季, 郭勤卫, 娄群峰, 徐建 and 陈劲枫 (2014) 黄瓜异戊烯基转移酶基因(CsIPT2)的克隆及特征分析. 南京农业大学学报, 21-26.
24. 赵娟, 沈佳, 李海梅, 娄群峰, 李季 and 陈劲枫 (2014) 甜瓜属线粒体基因组的父系遗传特性. 园艺学报, 2250-2258.
25. 赵娟, 沈佳, 李海梅, 娄群峰, 李季 and 陈劲枫 (2015) MTG-DAPI 双染色法观察黄瓜花粉细胞半薄切片中线粒体 DNA 的研究. 南京农业大学学报, 27-32.
26. 曹明明, 吴志明, 娄群峰, 阮氏清云 and 陈劲枫 (2013) 甜瓜属野生种 *Cucumis hystrix* Chakr.胞质葡萄糖-6-磷酸脱氢酶基因的克隆与启动子结构分析. 南京农业大学学报, 25-30.
27. 费雨兰, 王晶, 沈佳, 陈劲枫 and 娄群峰* (2013) 不同砧木嫁接对黄瓜长势及果实品质的影响. 江苏农业科学, 147-149.
28. 宁宇, 苗永美, 李季, 娄群峰, 翁益群 and 陈劲枫 (2013) 黄瓜转录因子 CsCBF3 的克隆及表达分析. 中国蔬菜, 30-36.孟佳丽, 娄群峰, 周晓慧, 史建磊 and 陈劲枫 (2012) 黄瓜-酸黄瓜染色体片段导入系群体的构建及果实相关数量性状基因的定位. 中国农业科学, 1558-1567.
29. 苗永美, 宁宇, 沈佳, 贾利, 李季, 娄群峰, 翁益群 and 陈劲枫 (2013) 黄瓜 LDC 基因克隆及逆境胁迫下的表达分析. 南京农业大学学报, 8-14.
30. 史建磊, 陈劲枫, 娄群峰, 钱春桃 and 孟佳丽 (2012) 黄瓜渐渗后代遗传变异分析及 QTL 检测. 园艺学报, 687-694.
31. 史建磊, 娄群峰, 钱春桃, 万红建, 周晓慧 and 陈劲枫 (2011) 黄瓜染色体片段导入系的构建与遗传评价. 南京农业大学学报, 20-24.
32. 王东, 江彪, 娄群峰 and 陈劲枫 (2011) 甜瓜属 REMAP 分子标记体系的建立及应用. 中国瓜菜, 6-9.
33. 王垒, 陈劲枫, 娄丽娜 and 娄群峰 (2011) 黄瓜 ARF 家族序列特征及部分成员在果实发育早期的表达分析. 园艺学报, 717-724.
34. 王垒, 陈劲枫, 娄丽娜, 娄群峰 and 贾利 (2011) 黄瓜果实中 ARF 和 Aux/IAA 基因对外源激素的应答. 西北植物学报, 1127-1131.
35. 王垒, 娄丽娜, 闫立英, 娄群峰 and 陈劲枫 (2011) 黄瓜果实发育早期 Aux/IAA 家族部分基因的差异表达分析. 南京农业大学学报, 13-17.